Zepeda-Carrilo, Ciencias de la Salud (Presentación oral)

**Consumo de alcohol y alteracion en su metabolismo como riesgo para diabtes mellitus tipo 2 en originarios de Nayarit**

**Zepeda-Carrillo EA1,2, Frías-Delgadillo KJ1, Vázquez-Herrera CK, Aguilar-Arcadia LG1, Aguiar-García P1, Flores-García A1, Ramírez-Estrada JL1 , Bernal Pérez JA1,3.**

1Unidad Académica de Medicina. Universidad Autónoma de Nayarit. Tepic, Nayarit, México.  
2 Hospital General “Dr. Antonio González Guevara”, Tepic Nayarit, México.

3Unidad de Medicina Familar No 24. Instituto Mexicano del Seguro Social. Tepic, Nayarit

Monte Everest No 26, Col. Lindavista, C.P. 63000.Tepic Nay. Cel: +52 (311) 2487861, Fax: (+52) 311 214 87 31. E-mail: [alcarrillo52@hotmail.com](mailto:alcarrillo52@hotmail.com)

**Introducción**

El consumo de alcohol es considerado como factor de riesgo independiente para el desarrollo de diabetes mellitus tipo 2 (DM2) en población caucásica. El metabolismo del etanol por *CYP2E1* genera especies nitrosadas y reactivas de oxigeno (ROS) que provocan nitración de la glucoquinasa (GCK) y su degradación. Lo anterior condiciona apoptosis en las células β-pancreáticas y con ello diabetes mellitus tipo2. El polimorfismo C2 (rs2031920) del gen CYP2E1 se asocia con mayor actividad enzimatica y más formación de ROS. El polimorfismo *Taq* IA (rs1800497) del gen DRD2 se ha asociado con adicción al alcohol. El estado de Nayarit se encuentra entre los estados con altos porcentajes en los indicadores de consumo consuetudinario de alcohol y abuso o dependencia.

**Objetivo**

Determinar la frecuencia de polimorfismos *Taq I A* y C2 de los genes DRD2 y CYP2E1 y su relación con el consumo de alcohol en pacientes con DM2 originarios de Nayarit.

**Material y métodos**

Estudio de casos y controles. Se aplicó una historia clínica particular donde se incluyeron ítems para el consumo de etanol con base en la Organización Mundial de la Salud. Los genotipos *Taq* IA del gen DRD2 y C2 del gen CYP2E1 se determinaron mediante PCR-RFLP´S.

**Resultados**

La frecuencia de los polimorfismos rs1800497 y 2031920 es de 52% y 18% respectivamente. Los portadores de los alelos “A1” y “C2” en DRD2 y CYP2E1 respectivamente presentan alto consumo de etanol y frecuencia de consumo, por lo que son considerados con mayor riesgo para desarrollo de DM2.

**Conclusión**

Los polimorfismos Taq I A y C2 de los genes DRD2 y CYP2E1 se relacionan con alto consumo de alcohol en pacientes que desarrollaron diabetes mellitus tipo 2.